

E. Ciências Agrárias - 1. Agronomia - 4. Fitotecnia

PARÂMETROS GENÉTICOS PARA GERMINAÇÃO DE SEMENTES EM *Jatropha curcas*

Bruno Portela Brasileiro ¹

Simone Alves Silva ¹

Luciel dos santos Fernandes ¹

Pedro de Almeida Santos ¹

1. Universidade Federal do Recôncavo da Bahia - UFRB

INTRODUÇÃO:

A espécie *Jatropha curcas*, pertencente à Euphorbiaceae e conhecida popularmente como Pinhão-mansão, tem sido uma alternativa a agricultura familiar e aos programas de biodiesel (Nunes, 2007). A busca por técnicas eficientes para propagação das espécies de interesse agrônomo constitui uma etapa importante para a introdução da cultura no plantio comercial (Carvalho & Nakagawa, 2000). Grandes esforços são concentrados objetivando o aumento de produtividade, tolerância a fatores ambientais e resistência a doenças e pragas via melhoramento genético, culminando no desenvolvimento de variedades que são repassadas aos produtores por meio de sementes (Gasques & Villa Verde, 1990). Trabalhos verificando a variabilidade entre acessos para germinação de sementes têm sido realizados para diversas espécies, indicando que a variabilidade possui componentes genéticos e ambientais (Reis & Martins, 1986; Veasey & Martins, 1991; Veasey et al., 2000; Oliveira et al., 2003; Rego et al., 2005; Vieira et al., 2005). Com a finalidade de dar continuidade aos programas de conservação e melhoramento genético da espécie, este trabalho teve como objetivo avaliar a germinação de sementes entre diferentes acessos de Pinhão-mansão.

METODOLOGIA:

As sementes de 27 acessos de Pinhão-mansão foram utilizadas na avaliação da germinação, utilizando o delineamento inteiramente casualizado com 3 repetições e 20 sementes por parcela. As sementes selecionadas foram semeadas em sacos de polietileno de 18x25cm, contendo como substrato: Latossolo Vermelho-Amarelo distrófico (4m³), Esterco (2m³), Super Simples (28kg) e Cloreto de Potássio (4.8Kg). Foram estimados parâmetros genéticos para os caracteres germinação de semente (GERM%) e para o índice de velocidade de emergência (IVE). Os componentes de variância e parâmetros genéticos foram estimados conforme (Vencovsky & BARRIGA, 1992). O ganho genético corrigido foi calculado conforme sugerido por Resende & Bertolucci (1995) e o coeficiente de endogamia da população recombinada (geração seguinte) foi estimado conforme Resende (2002). Para a realização da análise de variância foi utilizado o software SAS versão 9.1.3 (2003).

RESULTADOS:

Os 27 acessos utilizados na avaliação da germinação de sementes apresentaram média de 70,60% de germinação e 2,98 de velocidade de emergência, havendo ampla variabilidade entre os acessos (p foram obtidos valores elevados para o coeficiente de variação genética, 31,18% para germinação de sementes e de 40,81% para IVE). O coeficiente de variação genética é um parâmetro relevante nos estudos de genética quantitativa uma vez que permite inferir sobre a magnitude da variabilidade presente nas populações e em diferentes caracteres (Resende, 2002). Para herdabilidade no sentido amplo os valores obtidos foram de 95% para germinação de sementes e de 79% para o IVE, o coeficiente de variação relativo (CVr) foi superior a unidade para os dois caracteres, indicando alta possibilidade de ganhos genéticos (Vencovsky & BARRIGA, 1992).

Considerando a seleção entre progênies, com as 12 melhores famílias selecionadas, o coeficiente de endogamia da próxima geração foi estimado em 0,041 e o ganho de seleção corrigido foi de 16,29% para o caráter germinação de semente.

CONCLUSÃO:

O alto grau de variabilidade encontrado entre os genótipos de Pinhão-mansão, juntamente com a elevada herdabilidade e o CVr superior a unidade, sugerem que métodos de melhoramento simples podem ser aplicados, obtendo ganhos consideráveis para potencial germinativo de sementes. A seleção de matrizes que apresentam elevada germinação possibilitará a utilização de sementes de alta qualidade para se obter estande adequado e lavouras uniformes.

Instituição de Fomento: Fundação de Amparo a Pesquisa do Estado da Bahia - FAPESB

Palavras-chave: Herdabilidade, Ganho Genético, Domesticação.