

ANÁLISE MULTIVARIADA NO PRÉ-MELHORAMENTO DE GERMOPLASMA DE UMBU-CAJAZEIRA

Ivonilda Barbosa Brito Santana¹; Maria Angélica Pereira de Carvalho Costa²; Ricardo Franco Cunha Moreira²; Rogério Ritzinger³; Walter dos Santos Soares Filho²; Elaine Silva da Cruz⁴; Liliane Santana Luquine⁴

¹ Mestranda do Curso de Pós-Graduação em Recursos Genéticos Vegetais. Bolsista CAPES.

² Professor do Centro de Ciências Agrárias, Ambientais e Biológicas.

³ Pesquisador da Embrapa Mandioca e Fruticultura Tropical.

⁴ Estudante de Graduação do Centro de Ciências Agrárias, Ambientais e Biológicas. Bolsista FAPESB.

O melhoramento genético de espécies frutíferas prioriza ao atendimento de exigências do mercado consumidor, principalmente no que concerne à qualidade de frutos. Portanto, a caracterização físico-química de frutos de acessos de espécies frutíferas é de inquestionável valor na fase de seu pré-melhoramento genético. Os melhoristas necessitam avaliar esses caracteres para determinar os materiais mais promissores. Assim, o uso da análise multivariada permite combinar as várias informações obtidas na unidade experimental, facilitando a seleção e discriminação desses materiais superiores. Objetivou-se com este estudo caracterizar física e quimicamente frutos de dez acessos/genótipos de umbu-cajazeira (*Spondias* spp.) oriundos de coletas de germoplasma realizadas no Estado da Bahia, nos meses de março a maio de 2009. Foram avaliados: massa (g), diâmetros longitudinal e transversal (mm), acidez titulável (AT), sólidos solúveis (SS), ácido ascórbico (AA), pH e relação sólidos solúveis/acidez titulável dos frutos. Os dados foram submetidos à análise estatística multivariada, utilizando-se da técnica de análise de agrupamento (*cluster analysis*) – método UPGMA. As análises foram realizadas pelos programas estatísticos STATISTICA e GENES. Com base nos resultados obtidos, observou-se baixa distância genética entre os acessos/genótipos estudados, havendo a formação de três grupos, a partir do ponto de corte (distância de 1,35), sendo que as maiores distâncias ocorreram entre os acessos/genótipos ‘Princesa’ e ‘Gigante de Santa Bárbara’ (2,28), ‘Gigante de Santa Bárbara’ e ‘Esperança’ (2,27) e ‘Preciosa’ e ‘Gigante de Santa Bárbara’ (2,03), relativamente aos caracteres estudados. Os frutos dos acessos ‘Esperança’, ‘Preciosa’, ‘Princesa’ e ‘Suprema’ apresentaram elevada relação SS/AT, ideal para processamento agroindustrial.

Palavras chave: *Spondias* spp.; Análise multivariada; Caracterização físico-química